

[illegible]

Figure 1 (cont'd.)

	361	420
SEQ ID NO:2	-----	
SEQ ID NO:4	GSAYYVAPEVLHRSYSMEADIWSIGVITYILLCGSRPFWARTESGIFRSVLRADPNFDDS	
SEQ ID NO:6	-----	
SEQ ID NO:8	GSAYYVAXEVLHRSYGTEGDMXSIGVIAIYILL-----	
SEQ ID NO:17	GSPYYVAPEVLKKRYGPEADVWSAGVIIYILLCGVPPFWAENEQGIFEEVLHGRLDFESE	
SEQ ID NO:18	GSAYYVAPEVLHRSYSMEADIWSIGVITYILLCGSRPFWARTESGIFRSVLRADPNFDDS	
SEQ ID NO:19	GSAYYVAPEVLHRTYGTADMWSIGVIAIYILLCGSRPFWARTESGIFRAVLKAEPNFEEA	
	421	480
SEQ ID NO:2	-----	
SEQ ID NO:4	PWPTVSAEAKDFVKRFLNKDYRKRMATAVQALHPWLR-DEQR-QIPLDILIFRLIKQYLR	
SEQ ID NO:6	-----	
SEQ ID NO:8	-----	
SEQ ID NO:17	PWPSISDGAKDLVRRMLVRDPRKRLTAHEVLRHPWVQVGGVAPDRPLDSAVLSRMKQFSA	
SEQ ID NO:18	PWPSVSAEAKDFVKRFLNKDYRKRMATAVQALHPWLR-DEQR-QIPLDILIFRLVKQYLR	
SEQ ID NO:19	PWPSLSPEAVDFVKRLLNKDYRKRLTAAQALCHPWLW-GSHELKIPSDMIIYKLVKVYIM	
	481	540
SEQ ID NO:2	-----	
SEQ ID NO:4	ATPLKRLALKALSALREDELLYLKLQFKLLEP-RDGFVSLDNFRTALTRYLTDAMKESR	
SEQ ID NO:6	-----	
SEQ ID NO:8	-----	
SEQ ID NO:17	MNKLKKMALRVIAENLSEDEIAGLREMFKMIDADNSGQITFEELKVGLEKVGAN-LQESE	
SEQ ID NO:18	ATPLKRLALKALSALREDELLYLRLQFKLLEP-RDGFVSLDNFRTALTRYSTDAMRESR	
SEQ ID NO:19	STSLRKSALAALAKTLTVPQLAYLREQFTLLGPSKNGYISMQNYKTAILKSSTDAMKDSR	
	541	600
SEQ ID NO:2	-----	
SEQ ID NO:4	VLEFLHALEPLAYRRMDFEEFCAAAISPYQLEALERWEEIAGTAFQQFEQEGNRVISVEE	
SEQ ID NO:6	-----	
SEQ ID NO:8	-----	
SEQ ID NO:17	IYALMQAADVDNNGTIDYGEFIAATL---HLNKVER-EDHLFAAFQYFDKDGSGYITADE	
SEQ ID NO:18	VLEFQHALEPLAYRKMDFEEFCAAAISPYQLEALERWEEIAGTAFQHFQEGNRVISVEE	
SEQ ID NO:19	VDFVHMISCLQYKKLDFEEFCASALSVYQLEAMETWEQHARRAYELFEKDGNRPIMIEE	
	601	660
SEQ ID NO:2	-----	
SEQ ID NO:4	LA---QELNLAPTH--YSIVQDWIRKSDGKLNFLGFTKFLHGVITIRGSNTRR-----	
SEQ ID NO:6	-----	
SEQ ID NO:8	-----	
SEQ ID NO:17	LQVACEEFGLGDVQ-LEDLIGEVDQDNDGRIDYNEFVAMMQKPTVGGSRRRPICRTASAS	
SEQ ID NO:18	LA---QELNLAPTH--YSIVQDWIRKSDGKLNFLGFTKFLHGVITIRGSNTRR-----	
SEQ ID NO:19	LA---SELGLGPSVPVHVVLQDWIRHSDGKLSFLGFLVRLHGVSSR--TLQK-----	
	661	690
SEQ ID NO:2	-----	
SEQ ID NO:4	-----H	
SEQ ID NO:6	-----D	
SEQ ID NO:8	-----	
SEQ ID NO:17	GSASGSGRRSGWPRPLCLWLPCCLRVGVDD	
SEQ ID NO:18	-----H	
SEQ ID NO:19	-----A	

104150: 727500

Figure 2

1 60
 SEQ ID NO:10 M-----ASVGVARSSLGFQN--GTSSSSDPDRLPNELGSMISIRDDKDVE
 SEQ ID NO:12 M-----GSVXVAPSGLNNSSXTSMGA-----EKLDPQMHD LKIRDDKEXE
 SEQ ID NO:14 MVFEQQQLKEKRDSAKMTSVGVAPTS-GLREASGHGAAGVDR-LPEEMNDMKIRDDREME
 SEQ ID NO:16 M-----E-----HPAPAPEPMLLDEQPPTAVACE-----KKQQDGE
 SEQ ID NO:21 M-----ASVGIAPNP-GARD-----STGVDK-LPEEMNDMKIRDDKEME
 SEQ ID NO:22 M-----MASGGVAPAS-GFIDK-NASSVGVEK-LPEEMNDMKIRDDKEME
 SEQ ID NO:23 M-----ASVGVAPTS-GFREVLDGEIGVDDILPEEMSDMKIRDDREME
 SEQ ID NO:24 M-----ASLPLGPQPHALAPPLQLHDGDALKRRPE-----LDS DKEMS

61 120
 SEQ ID NO:10 D-IVVNGNGAEPGHIIVTSIDGRNGQAKQTISYMAERVVGHGSFGTVFQAKCLETGETVA
 SEQ ID NO:12 XXTIINXXGTEXGHIIVTTTGGXNGXPKXTVSYMAXRIVGQGSFGIVFQAKFWRQGETVA
 SEQ ID NO:14 A-TVVDGNGTETGHIIVTTIGGRNGQPKQTISYMAERVVGHGSFGVVFQAKCLETGETVA
 SEQ ID NO:16 AP-YAEGNDAMTGHIIISTTIGGKNGEPKQTISYMAERVVGTGSFGIVFQAKCLETGEMVG
 SEQ ID NO:21 A-TVVDGNGTETGHIIVTTIGGRNGQPKQTISYMAERVVGHGSFGVVFQAKCLETGETVA
 SEQ ID NO:22 AATIVDNGTETGHIIVTTIGGKNGQPKQTISYMAERVVGHGSFGVVFQAKCLETGETVA
 SEQ ID NO:23 A-TVVDGNGTETGHIIVTTIGGRNGQPKQTISYMAERVVGHGSFGVVFQAKCLETGETVA
 SEQ ID NO:24 AA-VIEGNDAVTGHIIISTTIGGKNGEPKQTISYMAERVVGTGSFGIVFQAKCLETGESVA

121 180
 SEQ ID NO:10 IKKVLDQDKRYKNRELQTMRLVDHPNVVALKHCFFSKTEKEELYLNLVLEYVPETAHRVIK
 SEQ ID NO:12 IKXVL-----
 SEQ ID NO:14 IKKVLDQDKRYKNRELQTMRLLDHPNVVALKHCFSTTEKDELYLNLVLEYVPETVNRVIK
 SEQ ID NO:16 IKKVLDQDRRYKNRELQLMRSMIHSNVVSLKHCFSTTSRDELFLNLVMEYVPETLYRVLK
 SEQ ID NO:21 IKKVLDQDRRYKNRELQTMRLLDHPNVVSLKHCFSTTEKDELYLNLVLEYVPETVHRVIK
 SEQ ID NO:22 IKKVLDQDKRYKNRELQTMRLLDHPNVVSLKHCFSTTEKDELYLNLVLEYVPETVSRVIR
 SEQ ID NO:23 IKKVLDQDKRYKNRELQTMRLLDHPNVVSLKHCFSTTEKDELYLNLVLEYVPETVHRVIK
 SEQ ID NO:24 IKKVLDQDRRYKNRELQLMRPM DHPNVISLKHCFSTTSRDELFLNLVMEYVPETLYRVLR

181 240
 SEQ ID NO:10 HYNKMNQRMPLIYAKLYMYQICRALAYIHNSIGVCHRD IKPQNLLVNPHTHQLKLCDFGS
 SEQ ID NO:12 -----
 SEQ ID NO:14 HYNKFNQRMPLIYVKLYTYQIFRALSYIHRCIGVCHRD IKPQNLLVNPHTH QVKLCDFGS
 SEQ ID NO:16 HYSNANQGMPLIYVKLYMYQLFRGLAYVHTVPGVCHRDVKPQNVLVDPLTHQVKICDFGS
 SEQ ID NO:21 HYNKLNQRMPLIYVKLYTYQIFRALSYIHRCIGVCHRD IKPQNLLVNPHTH QVKLCDFGS
 SEQ ID NO:22 HYNKMNQRMPLIYVKLYSYQICRALAYIHNSIGVCHRD IKPQNLLVNPHTH QLKICDFGS
 SEQ ID NO:23 HYSKLNQRMPLIYVKLYTYQIFRALSYIHRCIGVCHRD IKPQNLLVNPHTH QVKLCDFGS
 SEQ ID NO:24 HYTSSNQRMPIFYVKLYTYQIFRGLAYIHTVPGVCHRDVKPQNLLVDPLTHQVKLCDFGS

241 300
 SEQ ID NO:10 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVGSAGCVLAELL LGQPLFPGESGV
 SEQ ID NO:12 -----
 SEQ ID NO:14 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVWSVGC VLAELL LGQPLFPGESGV
 SEQ ID NO:16 AKVLVPGE PNIA YICSRYYRAPELIFGATEYTTSIDIWSAGCVLAELL LGQPLFPGETAV
 SEQ ID NO:21 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVWSAGCVLAELL LGQPLFPGESGV
 SEQ ID NO:22 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDIWSAGCVLGELL LGQPLFPGESGV
 SEQ ID NO:23 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTTAIDVWSVGC VLAELL LGQPLFPGERGV
 SEQ ID NO:24 AKVLVKGEPNISYICSRYYRAPELIFGATEYTASIDIWSAGCVLAELL LGQPLFPGENSV

Figure 2

THE **NEW** **YORK** **PUBLIC** **LIBRARY**

4/4